

Projet de recherche

Session: 2022

Informations générales

Titre: Inventaire de la biodiversité à l'échelle des bassins versants grâce au metabarcoding de l'ADN environnemental

Titre traduit: Basin-wide biodiversity survey through environmental DNA metabarcoding

Porteur: Correa Christian

• Patagonia - Bahia Exploradores OHMi

Laboratoire du porteur :

Adresse du laboratoire :

Disciplines :

Co-porteur(s): Delphine Vanhaecke, Pablo Saenz

- Ecology
- Biology
- Genetics
- Genomics
- Limnology
- Occurrence
- Geo Spatial

Type de projet: Projet OHMs

OHM(s) concerné(s):

Résumé

Les inventaires de la biodiversité sont des éléments clés pour planifier les stratégies de conservation. Les plans de surveillance utilisant l'ADN environnemental ont le potentiel d'offrir une méthode standardisée et rentable pour étudier la biodiversité dans les écosystèmes aquatiques. Nous proposons de mener des inventaires sur la biodiversité des vertébrés grâce à l'échantillonnage de l'eau et au méta-codage de l'ADN environnemental dans près de 30 plans d'eau de la Vallée des Explorateurs, Chili. Des travaux préliminaires réalisés par notre équipe ont déjà démontré la faisabilité de cette approche (Figure 1).

Contenu du projet

Cadrage

Objectifs

Méthodologie

Résultats attendus

Motivations

Participants

Financement

Budget demandé : 7000 €

Notes concernant le financement

Unité gestionnaire des crédits

L'unité est-elle française ?

S'agit-il d'une unité du CNRS ?

Nom:

Référence de l'unité:

Tutelle

Signatures

Je m'engage à respecter la Charte des OHMs et à la faire connaître aux autres participants. **Non renseigné**

Je certifie l'exactitude des renseignements fournis. **Non renseigné**